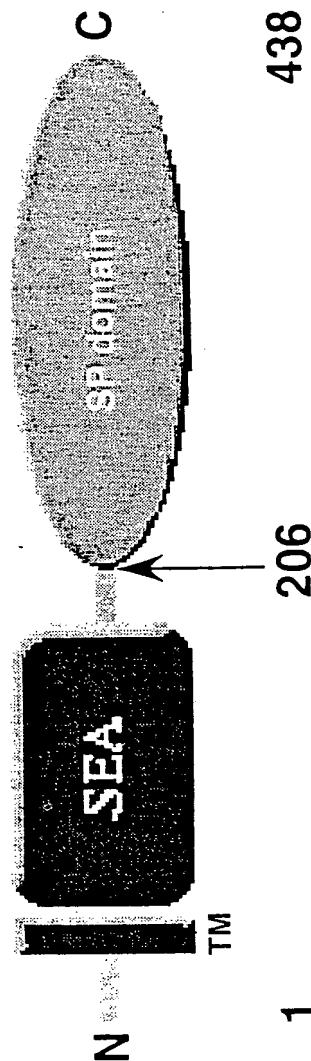


Domain organization and amino acid sequence of MTSP7



10 20 30 40 50 60
 MMYTPVEFSEAEFSRAEYQRKQFQWDSVRLALFTLAIVAIGIAIGIVTHFWEDDKSFY
 70 80 90 100 110 120
 YLASFKVTNIKYKENYGISSREFIERSHQIERMMSRIFRHSVGGRFIKSHVIKLSPDE
 130 140 150 160 170 180
 QGVDILIVLIFRYPSPTDSAEQIKKKIEKALYQSLTKQLSLTINKPSFRLTPIDSKMRN
 190 200 210 220 230 240
 LLNSRCGIRMTSSNMPLPASSSTQRIVQGREAMEGEWPQASLQLIGSGHQCGASLISN
 250 260 270 280 290 300
 TWLLTAAHCFWKNKDPTQWIAATFGATITPPAVKRNVRKIILHENYHRETNDIALVQLS
 310 320 330 340 350 360
 TGVEFSNIVQVCLPDSSIKLPPKTSVFTGFGSIVDDGPIQNTLRQARVETISTDVCNR
 370 380 390 400 410 420
 KDVDYDGLITPGMLCAGFMEGKIDACKGDSGGPLVYDNHDIWYIVGVSWGQSCALPKKPG
 430
 VYTRVTKYRDWIASKTGM*

↓ = protease cleavage site

Title: NUCLEIC ACID MOLECULES ENCODING A
TRANSMEMBRANE SERINE PROTEASE 7, THE
ENCODED POLYPEPTIDES AND METHODS BASED
THEREON

Docket No.: 24745-1613, Edwin Madison, et al
Filed: March 13, 2002

MTSP7/full length cDNA sequence Range: 1 to 2100

```

      10      20      30      40      50      60
AGATCAGATGGCGACTGAATAGAAGCTGCCCCAGTCCTGGGTTTCATGATGTACACACCTG
TCTAGTCTACCGCTGACTTATCTTCGACGGGGTCAGGACCCAAGTACTACATGTGTGGAC

      70      80      90     100     110     120
TTGAATTTTCAGAAGCTGAATTCTCACGAGCTGAATATCAAAGAAAGCAGCAATTTTGGG
AACTTAAAGTCTTCGACTTAAGAGTGCTCGACTTATAGTTTCTTCGTCGTAAAACCC

     130     140     150     160     170     180
ACTCAGTACGGCTAGCTCTTTTCACATTAGCAATTGTAGCAATCATAGGAATTGCAATTG
TGAGTCATGCCGATCGAGAAAAGTGAATCGTTAACATCGTTAGTATCCTTAACGTTAAC

     190     200     210     220     230     240
GTATTGTTACTCATTTTGTGTTGTGAGGATGATAAGTCTTTCTATTACCTTGCCCTCTTTTA
CATAACAATGAGTAAAACAACAACCTCTACTATTTCAGAAAGATAATGGAACGGAGAAAAAT

     250     260     270     280     290     300
AAGTCACAAATATCAAATATAAAGAAAATTATGGCATAAGATCTTCAAGAGAGTTTATAG
TTCAGTGTTTATAGTTTATATTCTTTTAATACCGTATTCTAGAAGTTCTCTCAAATATC

     310     320     330     340     350     360
AAAGGAGTCATCAGATTGAAAGAATGATGTCTAGGATATTTTCGACATTCTTCTGTAGGCG
TTTCTCAGTAGTCTAACTTTCTTACTACAGATCCTATAAAGCTGTAAGAAGACATCCGC

     370     380     390     400     410     420
GTCGATTTATCAAATCTCATGTTATCAAATTAAGTCCAGATGAACAAGGTGTGGATATTC
CAGCTAAATAGTTTAGAGTACAATAGTTTAATTCAGGTCTACTTGTTCCACACCTATAAG

     430     440     450     460     470     480
TTTAGTGCTCATATTTTCGATACCCATCTACTGATAGTGCTGAACAAATCAAGAAAAAAA
AATATCAGGAGTATAAAGCTATGGGTAGACTATCAGGACTTGTTTAGTTCTTTT

     490     500     510     520     530     540
TTGAAAAGGCTTTATATCAAAGTTTGAAGACCAAACAATTGTCTTTGACCATAAACAAAC
AACTTTTCCGAAATATAGTTTCAAACCTTCTGGTTTGTTAACAGAACTGGTATTGTTTG

     550     560     570     580     590     600
CATCATTTAGACTCACACCTATTGACAGCAAAAAGATGAGGAATCTTCTCAACAGTCGCT
GTAGTAAATCTGAGTGTGGATAACTGTCGTTTTCTACTCCTTAGAAGAGTTGTGACGGA

     610     620     630     640     650     660
GTGGAATAAGGATGACATCTTCAAACATGCCATTACCAGCATCTCTTCTACTCAAAGAA
CACCTTATTCCTACTGTAGAAGTTTGACGGTAATGGTCGTAGGAGAAGATGAGTTTCTT

     670     680     690     700     710     720
TTGTCCAAGGAAGGGAACAGCTATGGAAGGGGAATGGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGC
AACAGGTTCCCTTCCCTTTGTCGATACCTTCCCCTTACCGGTACCGTCCGGTCGGAGGTGC

     730     740     750     760     770     780
TCATAGGGTCAGGCCATCAGTGTGGAGCCAGCCTCATCAGTAACACATGGCTGCTCACAG
AGTATCCCAGTCCGGTAGTCACACCTCGGTCGGAGTAGTCATTGTGTACCGACGAGTGTC

     790     800     810     820     830     840
CAGCTCACTGCTTTTGGAAAAATAAGACCCAACTCAATGGATTGCTACTTTTGGTGCAA
GTCGAGTGACGAAAACCTTTTATTCTGGGTTGAGTTACCTAACGATGAAAACACGTT

     850     860     870     880     890     900
CTATAACACCACCCGAGTGAAACGAAATGTGAGGAAAATTATTCTTCATGAGAATTACC
GATATTGTGGTGGGCGTCACTTTGCTTTTACACTCCTTTTAATAAGAAGTACTCTTAATGG

     910     920     930     940     950     960
ATAGAGAAACAAATGAAAATGACATTGCTTTGGTTTCAGCTCTCTACTGGAGTTGAGTTT
TATCTCTTTGTTTACTTTTACTGTAACGAAACCAAGTCGAGAGATGACCTCAACTCAAAA
```

970 980 990 1000 1010 1020
CAAATATAGTCCAGAGAGTTTGCCTCCCAGACTCATCTATAAAGTTGCCACCTAAAACAA
GTTTATATCAGGTCTCTCAAACGGAGGGTCTGAGTAGATATTTCAACGGTGGATTTTGT
1030 1040 1050 1060 1070 1080
GTGTGTTTCGTACAGGATTTGGATCCATTGTAGATGATGGACCTATACAAAATACACTTC
CACACAAGCAGTGTCTAAACCTAGGTAACATCTACTACCTGGATATGTTTATGTGAAG
1090 1100 1110 1120 1130 1140
GGCAAGCCAGAGTGGAACCATAAGCACTGATGTGTGTAACAGAAAGGATGTGTATGATG
CCGTTCCGGTCTCACCTTTGGTATTTCGTGACTACACACATTGTCTTTCCTACACATACTAC
1150 1160 1170 1180 1190 1200
GCCTGATAACTCCAGGAATGTTATGTGCTGGATTCATGGAAGGAAAAATAGATGCATGTA
CGGACTATTGAGGTCTTACAATACACGACCTAAGTACCTTCCTTTTATCTACGTACAT
1210 1220 1230 1240 1250 1260
AGGGAGATTCTGGTGGACCTCTGGTTTATGATAATCATGACATCTGGTACATTGTAGGTA
TCCCTCTAAGACCACCTGGAGACCAAATACTATTAGTACTGTAGACCATGTAACATCCAT
1270 1280 1290 1300 1310 1320
TAGTAAGTTGGGGACAATCATGTGCACTTCCCAAAAACCTGGAGTCTACACCAGAGTAA
ATCATTCAACCCCTGTTAGTACACGTGAAGGGTTTTTTGGACCTCAGATGTGGTCTCATT
1330 1340 1350 1360 1370 1380
CTAAGTATCGAGATTGGATTGCCTCAAAGACTGGTATGTAGTGTGGATTGTCCATGAGTT
GATTCATAGCTCTAACCTAACGGAGTTTCTGACCATACATCACACCTAACAGGTACTCAA
1390 1400 1410 1420 1430 1440
ATACACATGGCACACAGAGCTGATACTCCTGCGTATTTTGTATTGTTTAAATTCATTAC
TATGTGTACCGTGTGTCTCGACTATGAGGACGCATAAAACATAACAAATTTAAGTAAATG
1450 1460 1470 1480 1490 1500
TTTGGATTAGTGCTTTTGTCTAGATGTCAAGAAGCCCTTCAGACCCAGACAAATCTAATAT
AAACCTAATCACGAAAACGATCTACAGTTCTTCGGGAAGTCTGGGTCTGTTTAGATTATA
1510 1520 1530 1540 1550 1560
CCTGAGGTGGCCTTTACATACGTAGGACCAAACCTCTCTACCATGAGGGAAGAAGACAC
GGACTCCACCGGAAATGTATGCATCCTGGTTTGGGAGAGATGGTACTCCCTTCTTCTGTG
1570 1580 1590 1600 1610 1620
AGCAAATGACAGACAGCACCTATTCTTACTCACAAGGGAACTGCTTGTGATACTTCCT
TCGTTTACTGTCTGTCTGGATAAGGAATGAGTGTCCCTTTGACGAACACTATGAAGGA
1630 1640 1650 1660 1670 1680
AATAAGATAAATAAGTGGTTTCCCTCAATTGAAGACAGGAACATCATTTTCCACAGGATA
TTATTCTATTTATTACCAAAGGGAGTTAACTTCTGTCTTGTAGTAAAGGTGTCTAT
1690 1700 1710 1720 1730 1740
TGAAGAGCTGCCAGTAATGCCAAAATCTTACCTCATATAATACCTGGAGCATGTGAGATT
ACTTCTCGACGGTCATTACGGTTTGAATGGAGTATATTATGGACCTCGTACACTCTAA
1750 1760 1770 1780 1790 1800
CTTCTAGTGAAAAAGAACAGTCTTCCCTGAAGACTCAGGGCTTCAACATTCTAGAACTGA
GAAGATCACTTTTCTTGTGAGAAGGGACTTCTGAGTCCCGAAGTTGTAAGATCTTGACT
1810 1820 1830 1840 1850 1860
TAAGTGGACCTTCAGTGTGCAAGAATGGAGAAGCATGGGATTTGCATTATGACTTGAAC
ATTACCTGGAAGTCACACGTTCTTACCTCTTCGTACCCTAACGTAATACTGAACCTTGA
1870 1880 1890 1900 1910 1920
GGGCTTATATCTAATAATACAGAGCACTATCACTAACCTCAACAGTTGACATTTTAAAG
CCCGAATATAGATTATTATGTCTCGTATAGTGATGGAGTTGTCAACTGTAAATTTTC

1930	1940	1950	1960	1970	1980
TTTTTAAATGTATCTGAACTTGCTGTTAACACAGTGTATAACTCAAGCACTAGCTTCAG					
AAAAATTTACATAGACTTGAACGACAATTGTGTCACAATATTGAGTTCGTGATCGAAGTC					
1990	2000	2010	2020	2030	2040
GAAGCATGTTGTGTTGTTAAGAAGCTTTTCTGATTTATTCTTTAACAGCATCTTGCCATC					
CTTCGTACAACACAACAATTCTTCGAAAAGACTAAATAAGAAATTGTCGTAGAACGGTAG					
2050	2060	2070	2080	2090	2100
TATATGTTAGTAGCAGTTGGCCCAGAAAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA					
ATATACAATCATCGTCAACCGGGTCTTCCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT					